

tilibit nanosystems GmbH
Lichtenbergstraße 8
DE 85748 Garching b. München
Germany
info@tilibit.com

single-stranded scaffold DNA type p7560

2.0 ml at 400 nM

Conc.: 400 nM

Store at -20°C

Vol.: 2000 µl

Amount: 800 pmol (1866 µg)

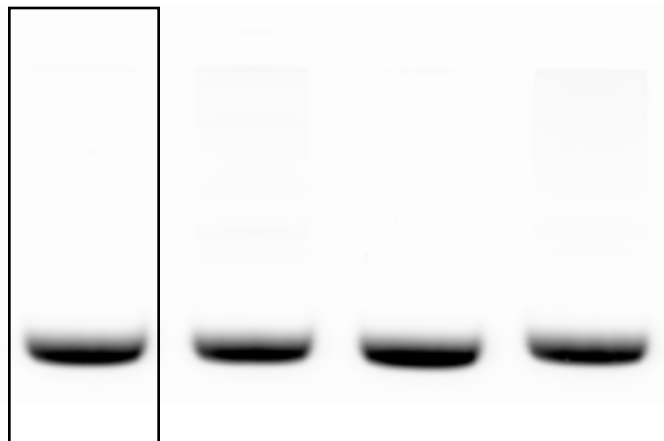
Product No.: M1-32

Lot No.:

Description: 800 pmol of single-stranded, circular DNA. The single-stranded viral DNA is isolated from a M13mp18 derivative. M13mp18 is a M13 lac phage vector. Length 7560 bases. See below for the sequence of bases. Volume is sufficient for 400 'standard' (20 nM, 100 µl) DNA origami folding reactions.

Normalised to 400 nM (932 µg/ml) concentration. Dissolved in buffer containing 10 mM TRIS-BASE, 1 mM EDTA. Ready to use for DNA self-assembly experiments. Quality control by agarose gel electrophoresis. Let equilibrate after thawing. Avoid shearing, pipet gently.

type p7560



Photograph of an Ethidium-Bromide stained 2% agarose gel on which several purified scaffold DNA samples were electrophoresed.

Exemplary references for usage:

Rothermund, PWK: "Folding DNA to create nanoscale shapes and patterns" -- Nature. 2006 Mar 16; 440(7082):297-302

Douglas, SM; Dietz, H; Liedl, T; Högberg, B; Graf, F; Shih, WM: "Self-assembly of DNA into nanoscale three-dimensional shapes" -- Nature. 2009 May 21; 459(7245):414-418

Detailed usage recipes:

Castro CE, et al: "A primer to scaffolded DNA origami" — Nature Methods. 2011 Mar; 8(3):221-9

Sequence:

AGCTTGGCACTGGCCGTCGTTTTACAACGTCGTGACTGGGAAAAACCTGGCGTTACCCAACCTAATGCCTTGCAGCACATCCCCTTTCCGCCAGCTGGCGTAATAGCGAAGAGGCCCGCCAGCCGATCGCC
CTTCCCAACAGTTGGCCAGCCTGAATGGCGAATGGCGCTTTGCCCTGGTTCCGGCACCAGAAGCGGTGGCGGAAAGCTGGCTGGAGTGGCATCTTCCGAGGCCGATACGTGTCGTCGCCCTCAAAC
GGCAGATGCACGGTTACGATGCGCCCATCTACACCAACGTCGACCTATCCCATACGGTCAATCCGCGGTTTGTCCACGGAGAATCCGACGGGTTGTTACTCGCTCACATTTAATGTGAAAGCTGGCT
ACAGGAAGGCCAGACCGCAATTTTTGATGGCGTTCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTAATGCGAATTTAACAAAAATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACATCTTCCCTGTT
TTTGGGGCTTTCTGATTATCAACCGGGTACATATGATTGACATGTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGATTCTTGTGTTCGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGATCTCTCAAAAATAG
CTACCCCTCCCGGCATTAATTCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGATTGACTGTCTCCGGCTTTCTCACCCCTTTTGAATCTTTACCTACACATTACTCAGGCATTGCATTTAAAAATATAGG
GTTCTAAAAATTTTATCCCTTCCGGTGAATAAAGGCTTCCCGCAAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTTGGTACAACCGATTTAGCTTTATGCTCGAGGCTTTATGCTTAAITTTGGTAATCTTTGCCCTT
CCTGTATTGTTTGGATGTTAATGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTCCAGCTCGGCCCAAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTTCGAAATGATCTAATGGTCAAACCTAAATCT
ACTCGTTCCGAGAATTTGGGAATCAACTGTTATATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTGCATATTTAAACATGTTGAGCTACAGCATATATTAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCAAAAATGAC
CTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTAAGCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGTCCGGCTCGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACAGCGGATATTGAAGCTTTCCGGCTTCCCTTAATCTTTTGTAT
GCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTATGGTCATCTCGTTTTCTGAAGCTTTTAAAGCATTTGAGGGGGATTAAGTAAATTTATGACGATTTCCGCAATTTGGAC
GCTATCCAGTCTAAACATTTACTATTACCCCTCTGGCAAAAACCTCTTTTGAAGGCTCTCGCTATTTTGGTTTTATGCTGCTGCTGTAACAGGAGGTTATGATAGTGTGCTCTTACTATGCTCGTAATCC
TTTTGGCGTTATGATCTGCATTAAGTTGAATGTGGATTCCATAATCTCAACTGATGAATCTTTTACCTGTAATAATGTTTCCGTTAGTTGCTTTTAAAGCTAGATTTTTCTCCCAACGCTCTGACTGGTATAA
TGAGCCAGTCTTAAAAATCGCATAAGGTAATCACAATGATAAAGTTGAAATTAACCATCTCAAGCCCAATTTACTACTCGTCTGGTGTCTGTCAGGGCAAGCCATTTACTGATGAGGAGCTTTGTTA
GCTTTAATACTTTTATGTTTGAATAATAGTTTCCGAAATAGCTGATAAACCGGATCAAAATGAAGGCTCTTTTGGAGCTTTTGGAGCTTTTCAACGTAATAATTTCCGTAATTTACCTTCCCTTCCCTTT
CCGCTCGCCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGAGCAGGTCGGGATTCCGACACAATTTATCAGCGATGATACAATCTCCGTTGTACTTTTGTTCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGT
GTTTTAGTGATCTTTTGCCTTCTCGTTTAGGTTGGTGCCTTCGTAGTGGCATTACGATTTTACCCTTTAATGAAAATCTCCATGAAAAGTCTTTAGTCCCTCAAAGCCCTCTGTAGCCGTTGCTACCCCTC
GTTCCGATGCTGCTTTGCTGCTGAGGGTGAAGTCCCGCAAAAGCGGCTTTAACCCTCGCAAGCTCAGCGACCGAATATATCGTTATGCGTGGGCGATGGTGTGTGCTATTGCGCGCAACTATC
GGATCAAGCTTTTAAAGAAATCACCTCGAAAGCAAGCTGATAAACCGGATCAAAATGAAGGCTCTTTTGGAGCTTTTGGAGCTTTTCAACGTAATAATTTCCGTAATTTACCTTCCCTTCCCTTCCCTT
CTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTAGCAAAATCCCATACAGAAAATTCATTACTAACGCTGGAAGAGCAGCAAAAATTTAGATCGTTACGCTAACTATGAGGGCTGTCTGGAATGCTACA
GGCGTTGTAGTTGTACTGGTGACGAACTCAGTGTACCGGTACATGGTTCCTATTGGCTTGTCTATCCCTGAAAATGAGGGTGGTGGCTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGG
CGGTACTAAACCTCCTGAGTACGGTGATACCTATCCGGGCTACTATATCAACCCTCTCGACGGCACTTATCCGCTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCTTCTTGGAGGCTCTCAGC
GTTTTAATACTTTTATGTTTGAATAATAGTTTCCGAAATAGCTGATAAACCGGATCAAAATGAAGGCTCTTTTGGAGCTTTTGAAGCTTTTGAAGCTTTTGAAGCTTTTGAAGCTTTTGAAGCTTTTGAAGCT
CATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTCGCCTTTCCATTCTGGCTTTAATGAGGATTTATTTGTTGTGAATATCAAGGCAATCGTCTGACCTGCCTCAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCG
GCTCTGTTGGTGGTCTGCTGGCGGCTCTGAGGTGGTGGCTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCCGGTGATTTGATTATGAAAAGA
TGGCAACCGCTAATAAGGGGCTATGACCGAAAATCCGATGAAAACCGCTACAGCTGACGCTAAAGGCAAACTGATTCTGTCGCTACTGATTACGGTGTGCTATCGATGGTTCATTGGTGACGTTTC
CGGCTGCTAATGGTAATGGTCTACTGTTGTTGCTGGCTTAATCCCAAATGGCTCAAGTCCGGTGAAGTAAATTTGAGGATTTTCAACGTAATAATTTCCGTAATTTACCTTCCCTTCCCTTCCCTTCCCTT
GAATGTCGCCCTTTTGTCTTTGGCGCTGGTAAACCATATGAATTTTCTATTGATTGTGACAAAATAAATTTATCCGTTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTATATGTTGCCACCTTATGATGATTTTCTACGTTTGTAA
CATACTCGTAATAAGGAGCTTAATCATGCCAGTTCTTTGGGTATTCGGTATTAATGCGTTTCCCTGGTTCCTTCTGTAACCTTTGTCGGCTATCTGCTTACTTTCTTAAAGGGGCTCGGTAAGATAGCT
ATTGCTATTTCAITTTTCTTGTCTTATTATGGGCTTAACTCAATTTCTTGGTGTATCTCTGTATATTAGCGCTCAATACCCCTGACTTTGTTAGGGTGTTCAGTTAATTTCCCGCTAATGCGCTTCCCT
GTTTTATGTTATCTCTCTTAACAGGCTGATTTTCAITTTTGAAGTAAACAAAAATCGTTTCTTATTGGATTGGGATAAATAATAGCTGCTTTTATTTGTAACCTGGAATAGGCTGTTTATTTGTAACCTGGA
TAGCGTTGGTAAGATTAGGATAAAATGTAGCTGGGTGCAAAATAGCAACTAATCTTGATTAAAGGCTTCAAAACCTCCCGCAAGTCCGGAGGTTGCTAAAACCGCTCGGCTTTAGAATAACCGGATAAGC
CTTCTATATCTGATTGCTGCTATGGCGCGGTAATGATTCTACGATGAAAATAAAAACGGCTTGTCTTCTGATGAGTGCAGGTTACTGGTTAATACCCGTTCTTGAATGATAAGGAAAGACAGCCGAT
TATTGATTGGTTCTACATGCTCGTAAATAGGATGGGATATATTTTCTTGTTCAGGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGCTGCTGAGCAGAACTACT
TTACCTTTTGTGCGTACTTATATCTCTTAACTGGCTCGAAAATGCCCTCGCCTAAATATACATGTTGGGCTTTGTTGAGGCTTAAATAGCCATTTCTCAATTAAGCCATTTCTCAATTAAGCCATTTCTCAAT
TGTATAACGCATATGATACTAAACAGGCTTTTCTAGTAATATGATTCCGGTGTATTCTTATTTAAGCCTTATTATCACACGGTCCGTTATTCAAACCTAATTAATTTAGTGCAGAAGATGAAATTAATAAAT
ATTTGAAAAGGTTTCTCGCGTTCTTTGCTCTGCGATTGGATTGCATCAGCAATTACATATAGTATATAACCAACCTAAGCCGGAAGGTTAAAAGGTAAGTCTCTCAGACCTATGATTGATAAATCACTATTGA
CTCTTCTCAGCGCTTAATCTAAGCTATCGCTATGTTTCAAGGATTTAAGGAAAATTAATAATAGCGACGATTACAGAAAGCAAGGTTATTCACTCACATATATTGATTATGACTGTTCCATTTAAAAAGG
AATCAAATGAAATTTGAAATGTAATTAATTTGTTTCTTGTGATGTTTTGTTTCTATCTCTTTTGTCTCAGGTAATGAAATGAAATTTCCGCTTGCAGGCTTTGTTAAGCTGGTAITCAAAGCAATCAGCGCAAT
CCGTATTGTTTCTCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGTATATCATCTGACGTTAAACCTGAAAAATCTACGCAATTTCTTATTCTGTTTACGTCGCAATAATTTGATATGGTAGGTTCTAACCCCTCCATT
CAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATATATTGATGAATGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAATCCGCTCCTTCTGTTGGTTTCTTTGTTCCGCAAAAATGATAATGTTACTCAAACCTTTAAATTA
TAACGTTCCGGCAAAAGGATTTAATACGAGTTGTCGAATTTGTTGAAAGTCTAATACTTCAAATCTCAAATGATATATCTATTGACGGCTCAATCTATTAGTTGTTAGTGCCTCAAAGATATTTAGATAACCTTC
CTCAATTCCTTCAAACCTTTGTTAATTTGCCAACTGACCAGATATGATTGAGGGTTGATATTGAGGTTGACGAAAGGTTGATGCTTACAGGCTTCTCAGGCTGGCAGCTGTTGACAGCGGTG
TTAATACTGACCGCTCACCTCTGTTTTATCTTCTGCTGGTGGTTGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTAGGGCTATCAGTTCCGCGCATTAAGACTAATAGCCATCAAAAATATTGCTGTGCCACGTAAT
CTTACGCTTTACAGGTGAGGAGGTTCTATCTGTTGGCCAGAATGCCCTTTTAACTATGGTGGTGAAGTCTGCAATGTAATAATCAATTTGAGACGATTTAGAGCTCAAATGATGAGCTGTTTCCGCTTCCCA
TGAGCGTTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGTAATATTGTTCTGGATATACCAGCAAGGCGATAGTTTGGATTCTTACTCAGGCAAGTATGATTACTAATCAAAGAAATGTTGCTACAACGGTTAATTT
CGTGATGGACAGACTTTTACTCGGTGGCTCACTGATTAATAAACACTTCTCAGGATTTCTGCGCTACCGGTTCTGCTAAAATCTCCGCTTAAAGCTGGTAAAGCTTTAATGCTCCCGCTCTGATTCTAACAGGAA
AGCACGTTATACGTCGTCGCAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGCGCATTAAGCGCGGGGTTGGTGGTTACGCGCAGCGTACCGCTACACTTGCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTT
GCTTCTTCCCTTCCCTTCTCGCCAGCTTCCGCGGCTTTCCCGCTCAAGCTCTAAATCGGGGCTCCCTTAGGGTCCGATTTAGTCTTACGGCACCTCGACCCCAAAAACCTGATTTGGGTGATGGTT
CACGTAGTGGCCATCGCCCTGATAGCAGGTTTTTCCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCAGCTTTTAAATAGTGCATCTTGTCCAACTGGAACAACAACCTCAACCTTATCTCGGGCTATTCTTTGATTATAAG
GGATTTTGGCAATTTCCGAAACCACTCAACAGGATTTTCCGCTGCTGGGGCAAAACAGCGCTTGTGCAACTCTCAGGGCCAGGCGGTGAGGGGCAATCAGCTGTTGCCCTCACTG
GTGAAAAGAAAACCAACCTGGCGCCCAATACGCAAAACCGCTTCCCGCGCGTTGGCCGATTCTAATGACGCTGGACAGCAGGTTTTCCGACTGAAAAGCGGCGAGTGAAGCGCAACGCAATTAAT
GTGAGTTAGCTCACTATTAGCCACCCAGGCTTTACACTTTATGCTTCCGGCTCGATGTTGTGGAATTTGAGCGGATAACAATTTACACAGGAAACAGCTATGACCATGATTGAAATTCGAGCTCGG
TACCGGGATCCTCGCTTTATCGAGGTAACAAGCACCACGATGCTTAAAGCCCTGTTACTCATTACCAACCAAGGAGGTCAGAGTTCCGGAGAATGATTATGGAATGCGTCAAGCGATTCAAGGCC
CCTATATTGTCGCCACCAGGCTTACAGTTACAGTGGCAGGCGCAGCTGCGGATCATGCTTCCAGGCGAGCTGAAAGATGAAAGAGCGGGGTTATTTGGCGGGACATTGCTAAGGTTGA
CAAITTACGACTAAGGACACTTAAGTCTGCGCATGAAITTCACAACCACTTAGAAGACATACACCTGACTTCTCTCGAGA